ChatGPT und KI-Anwendungen für Ärzt:innen

8. Sitzung – Komplexe klinische Schlussfolgerungen mit Med Gemini und medizinischen Graph-Algorithmen

UNIVERSITY OF THE **AEGEAN**

SCHOOL OF ENGINEERING

DEPARTMENT OF INFORMATION AND COMMUNICATION SYSTEMS ENGINEERING

Referent: Prof. Dr. Panagiotis

Symeonidis

Associate Professor

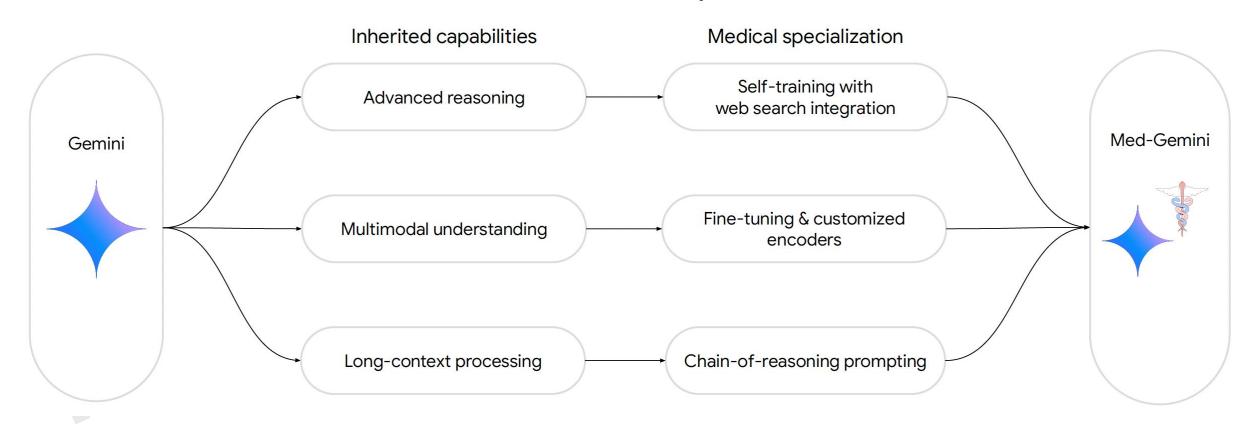
http://panagiotissymeonidis.com

psymeon@aegean.gr

Med Gemini: Einsatzmöglichkeiten in der klinischen Praxis

Capabilities of Gemini Models in Medicine

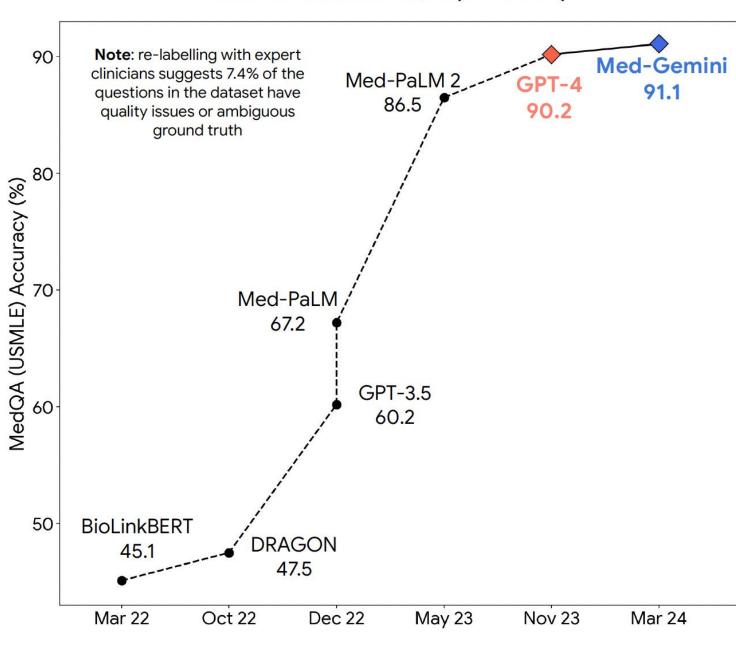
Med-Gemini Development



Med Q&A-Benchmark US Medical License Exam (USMLE)

❖ Med-Gemini erreicht eine führende Genauigkeit von 91.1%, und übertrifft damit die Leistung von GPT-4 (90.2%)

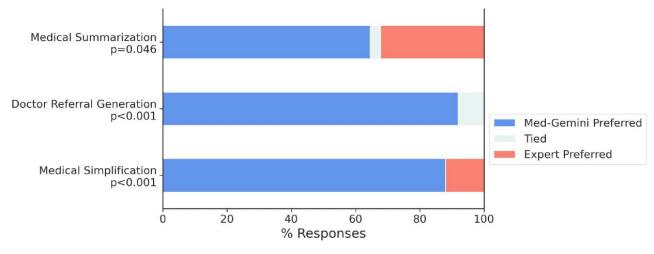
SoTA on MedQA (USMLE)



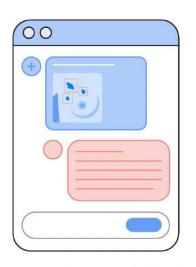
Med Gemini vs. Expert:innen

- *medizinischer Zusammenfassung,
- ❖rErstellung von Überweisungsschreiben,
- *und Vereinfachung medizinischer Inhalte, übertreffen die Med-Gemini-Modelle die Leistung von Expert:innen

Real-world Utility with Novel Applications



Clinical abstraction

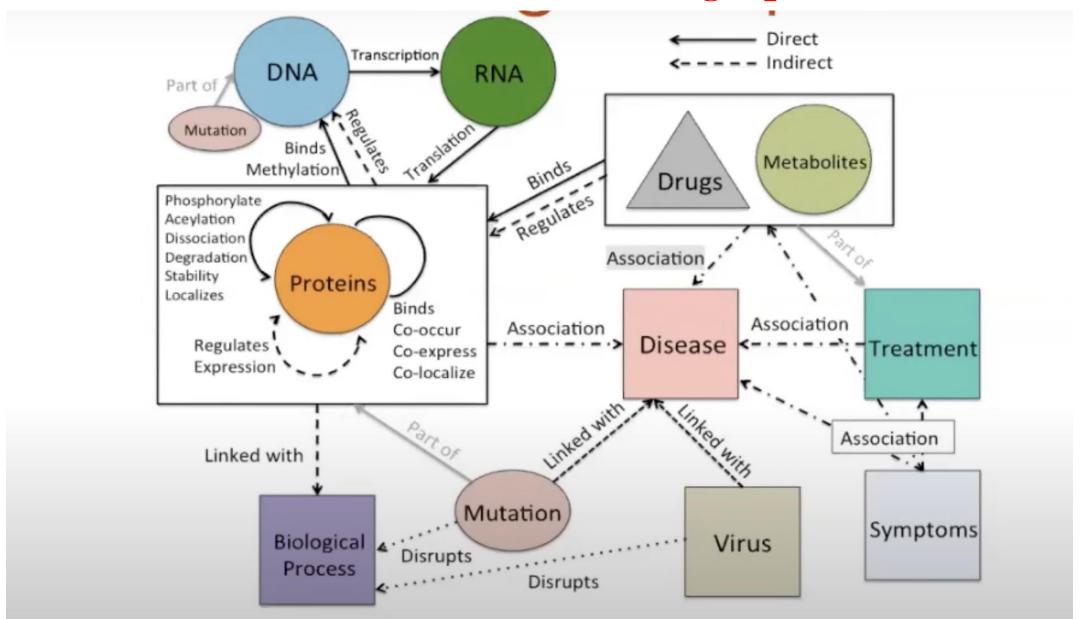


Multimodal medical dialogue



Medical video QA

Medizinische Wissensgraphen

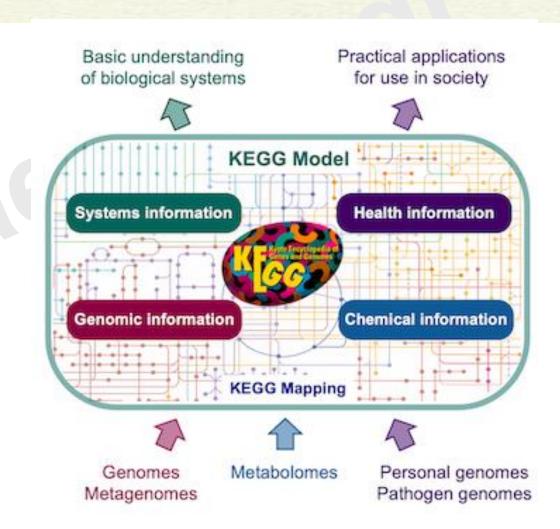


Einführung in KEGG

KEGG ist eine umfassende Datenbankressource zur Analyse und zum Verständnis der Funktionen biologischer Systeme – von Zellen über Organismen bis hin zu Ökosystemen.

KEGG-Nutzungsstatistiken:

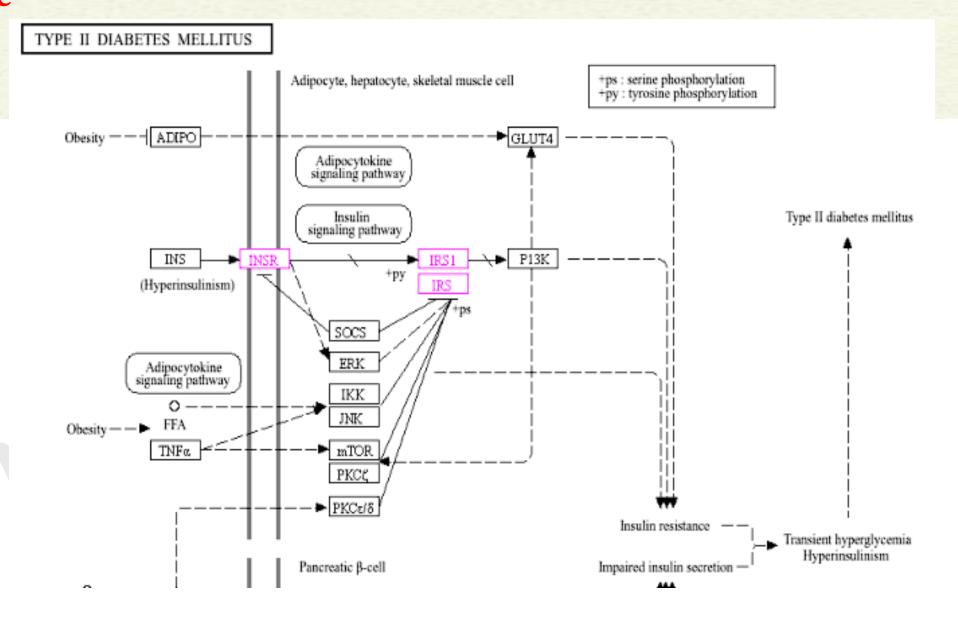
- Stand 2023 enthält KEGG über 20.000 Pathways, die verschiedene biologische Prozesse abbilden – artenübergreifend.
- Die Datenbank umfasst mehr als 5.000 Spezies, von Bakterien bis zum Menschen.
- KEGG wurde weltweit in über 50.000 wissenschaftlichen Publikationen zitiert und gehört damit zu den meistgenutzten biologischen Datenbanken.



Krankheitsbezogene Signalwege (Beispiel: Diabetes)

- INSR (Insulinrezeptor): Primärer Rezeptor für die Insulinsignalübertragung.
- IRS1/2 (Insulinrezeptor-Substrate): Vermittler der Insulinwirkung.
- ❖ AKT und PI3K: Schlüsselmoleküle für die Glukoseaufnahme.
- **❖** GLUT4:

Glukosetransporter, der für die insulinabhängige Glukoseaufnahme verantwortlich ist.

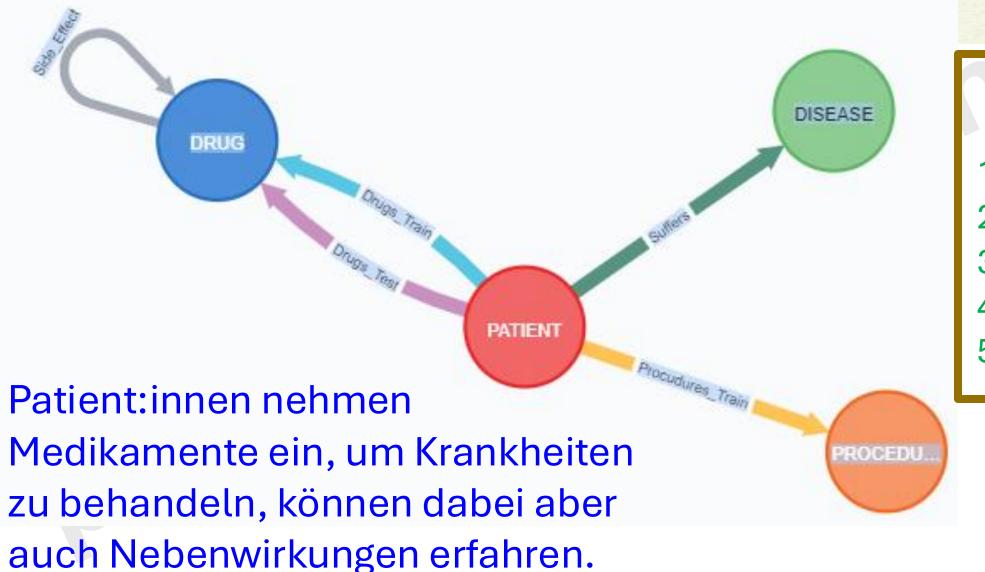


Graphbasierte Methoden für personalisierte Gesundheit

Publikationen

- 1. <u>Safe, effective and explainable drug recommendation based on medical data integration</u> (Symeonidis et al., UMUAI journal, 2022)
- 2. <u>Treatment Recommendations for COVID-19 Patients along with Robust Explanations (Symeonidis et al., IEEE CBMS 2021)</u>
- 3. Recommending what drug to prescribe next for accurate and explainable medical decisions (Symeonidis et al., IEEE CBMS 2021)

Wissensgraph für medizinische Daten (RDF-Tripel)

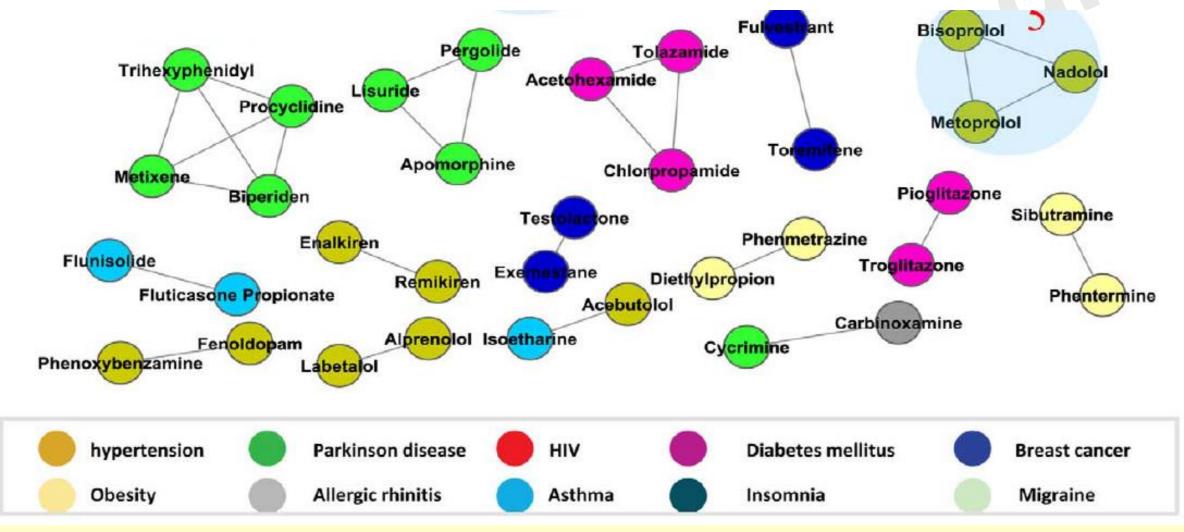


Beteiligte Entitäten

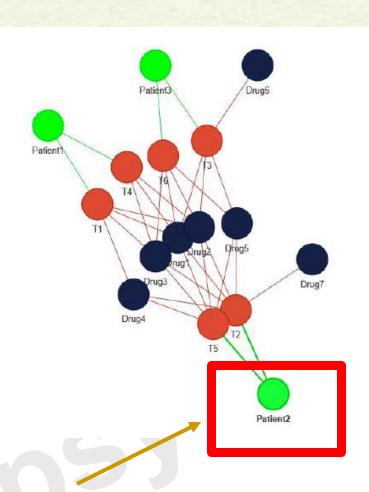
- 1. Patient
- 2. Drug
- 3. Disease
- 4. Procedure
- 5. Side Effect

Ähnlichkeitssuche und Relevanz in Graphen

Graphbasierte Algorithmen (z. B. SimRank, RWR usw.) können ein Medikamenten-Ähnlichkeitsnetzwerk (Drug-Drug Similarity Network) erzeugen



Meta-Pfad-basierte Erklärungen (Vorschlag)



Welches Medikament soll Patient:in 2 erhalten?

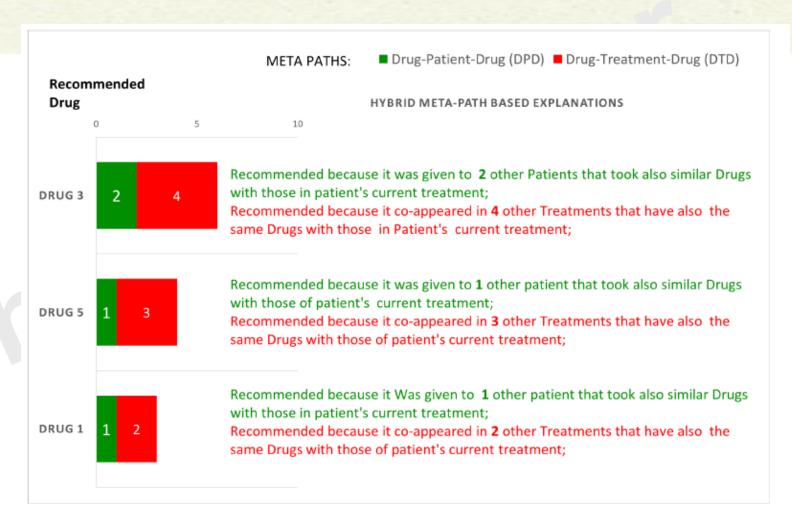


Fig. 4: Drug Recommendations along with explanation for patient 2. Drug 3 is recommended because it has the most frequent meta paths supporting it.

Graph Convolution Neural Networks Formula:

□ Propagation/Convolution Rule (Übertragungsregel):

$$h_i^{(1+1)} = \sigma \left(\sum_{r \in R} \sum_{j \in N_i r} \frac{1}{c_{i,r}} \cdot W_r^{(l)} \cdot h_j^{(1)} \right)$$

- $> h_i^{(l+1)} :$ Repräsentation von Knoten i.
- $>h_i^{(l)}$: Latente Repräsentation von Nachbarknoten j in Schicht I.
- $>W_{\rm r}^{(l)}$: Gewichtsmatrix in Schicht I für gerichtete Kanten vom Typ r.
- $> N_i^r$: Menge der Nachbarn von i mit gerichteten Kanten vom Typ r.
- $\succ C_{i,r} = |N_i^r|$: Anzahl der Nachbar:innen von Knoten i über gerichtete Kanten vom Typ r (zwei Typen gerichteter Kanten r).
- $> \sigma$: Nichtlineare Aktivierungsfunktion (z. B. Sigmoid).